

سوابق تحصیلی (CV)



نام و نام خانوادگی : محمد امین طباطبائی فر

تاریخ تولد: ۱۳۵۸/۳/۲۲

محل تولد: شیراز

وضعیت تاهل: متاهل

وضعیت شغلی: دانشیار پایه ۱۷ گروه ژنتیک و بیولوژی مولکولی دانشگاه علوم پزشکی اصفهان

تحصیلات:

بهمن ۱۳۸۳ - مرداد ۱۳۸۹ دکتری تخصصی ژنتیک پزشکی

* دانشگاه علوم پزشکی تهران، دانشکده پزشکی، گروه ژنتیک پزشکی

* دوره تکمیلی یک ساله در کشور بلژیک در گروه ژنتیک دانشگاه انتورپ (۸۸-۸۷)

معدل: ۱۸

عنوان رساله: تجزیه و تحلیل پیوستگی ژنتیکی جهت شناسایی لوکوس های عامل ناشنوایی غیر

نشانگانی مغلوب اتوزومی در خانواده های ایرانی

اساتید راهنما: دکتر محمد رضا نوری دلویی و دکتر مرتضی هاشم زاده چالشتری و با مشاوره دکتر گی

وان کمپ

نمره رساله:

۲۰

مهر ۱۳۸۰ - مرداد ۱۳۸۳ کارشناسی ارشد ژنتیک انسانی
دانشگاه علوم پزشکی تهران، دانشکده پزشکی، گروه ژنتیک پزشکی

معدل: ۱۸/۷۶

عنوان پایان نامه: بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن *CD4* با بیماری ویتیلیگو در جمعیت ایرانی

استاد راهنما: دکتر مهدی زمانی

نمره پایان نامه: ۱۹/۵۰

مهر ۱۳۷۶ - بهمن ۱۳۷۹ کارشناسی زیست شناسی علوم جانوری
دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان، گروه زیست شناسی

معدل: ۱۸/۰۴

تجارب حرفه ای

* عضو هیأت علمی گروه ژنتیک پزشکی دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور اهواز از ۱۶ اسفند ۱۳۸۹ تا کنون

* عضو هیأت علمی گروه ژنتیک دانشگاه علوم پزشکی اصفهان از مرداد ۹۳ تا کنون

سابقه تدریس

- * تدریس بیش از ۲۰۰ واحد درسی شامل بیش از ۲۰ عنوان درس: اخلاق پزشکی، مهندسی ژنتیک، تازه های ژنتیک، اپیدمیولوژی مولکولی، اساس مولکولی بیماری ها، روش های مولکولی تشخیص بیماری ها، ایمونوژنتیک، ژنتیک جمعیت، ژنتیک پزشکی، ژنتیک انسانی، ژنتیک پزشکی پیشرفته، سیتوژنتیک، سیتوژنتیک پیشرفته، ژنتیک بیوشیمیایی، سیتوژنتیک مولکولی پیشرفته، تغذیه سلولی و مولکولی، بیولوژی سلولی و مولکولی، ژنتیک سرطان پیشرفته، اصول استاندارد سازی، ایمنو بیوشیمی و روشهای آنالیز، در مقاطع کارشناسی ارشد و دکتری تخصصی و دروس بیولوژی سلولی مولکولی، ژنتیک عمومی، بیماری های ارثی در مقطع کارشناسی، و ژنتیک پزشکی در مقاطع پزشکی و دندانپزشکی عمومی
- * برگزاری و تدریس کارگاه های بیوانفورماتیک با عنوان محاسبات در روش پیوستگی ژنتیکی
- * برگزاری و تدریس کارگاههای نسل نوین توالی یابی، کاربرد و آنالیز
- * تدریس دروس زبان تخصصی

تهیه مواد آموزشی

- * تدریس مباحثی از مشاوره ژنتیک تهیه شده توسط وزارت بهداشت به صورت لوح فشرده چند رسانه ای مشاوره ژنتیک
- * کارگاه آموزشی بیوانفورماتیک: تدریس و کمک به تهیه کتاب:
- کاربرد های بیوانفورماتیک در علم ژنومیک (فصل نقشه برداری ژنتیکی). منتشر شده توسط مؤسسه مارس
- * CD مجموعه سخنرانی های ژنتیک جهت تدریس

* دریافت تقدیرنامه از سوی معاون درمان دانشگاه علوم پزشکی اصفهان بابت همکاری ها با معاونت درمان، بهار ۹۹

* دریافت تقدیرنامه از سوی معاون بهداشتی وزارت بهداشت، درمان و آموزش پزشکی به دلیل مشارکت در محتوای آموزشی برنامه مشاوره ژنتیک کشوری سال ۹۵

*رتبه ۳ در ششمین جشنواره آموزشی شهید مطهری در حیطه تدوین و بازنگری برنامه های آموزشی سال ۹۱

*رتبه ۶ پژوهشی در میان ۶۰۰ عضو هیأت علمی دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور اهواز- سال ۹۱

* دریافت تقدیرنامه ها از سوی ریاست محترم مرکز بیماری های غیرواگیر وزارت بهداشت به دلیل همکاری در طرح ها- در سالهای ۱۳۹۰ تا ۱۳۹۹

* انتخاب شده به عنوان دانشجوی برتر مقطع Ph.D دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی تهران در سال تحصیلی ۱۳۸۸-۱۳۸۹

* انتخاب شده به عنوان پژوهشگر برگزیده گروه ژنتیک در مقطع Ph.D در اسفند ماه ۸۸

*رتبه دوم کشوری آزمون ورودی Ph.D ژنتیک پزشکی سال ۸۳

*رتبه چهارم المپیاد کشوری دانشجویی در زیست شناسی سال ۸۰

* دانشجوی نمونه دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان در مقطع کارشناسی - ۱۳۷۹

* کشف یک لوکوس ژنتیکی جدید در ناشنوبی غیرسندرمی مغلوب اتوزومی به نام DFNB93 (مصوب کمیته نامگذاری بین المللی HUGO) در آوریل ۲۰۱۰ و همکاری در یافت ژن مربوطه با عنوان CABP2 در ۲۰۱۲

* دریافت گرنت از سوی بنیاد ژنتیک اروپا (ESGM) جهت شرکت در دوره ژنتیک پزشکی ، بولونیا، ایتالیا، ۲۰۰۷

* نمره ممتاز پایان نامه کارشناسی ارشد با عنوان " بررسی ارتباط چندشکلی های ژن CD4 در جمعیت ایرانی، مرداد ۱۳۸۳

* دانشجوی ممتاز مقطع کارشناسی ارشد ژنتیک انسانی دانشگاه علوم پزشکی تهران با معدل ۱۳۸۳، ۱۸/۷۶

* دریافت تشویق نامه به دلیل شرکت فعال در کمیته سازماندهی اولین کنگره بین المللی ژنتیک سرطان از سوی دبیر کنگره سرکار دکتر پروین مهدی پور، ۱۳۸۲

* دانشجوی نمونه دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان- ۱۳۸۰

همکاری در پروژه های تحقیقاتی

- ۱- بررسی پیوستگی ژنتیکی تعدادی از لوکوسهای دخیل در ناشنوایی غیرسندرمی اتوزومی مغلوب با ناشنوایی در ۵۰ خانواده ایرانی دارای فرد ناشنوای ایرانی
- ۲- بررسی میزان بیان پمپ های افلاکس MexXY-OprM, MexAB-OprM, پورین OprD, بتالاکتاماز کروموزومی AmpC و موتاسیونهای ژنهای تنظیمی mexR و mexZ و وجود ژن متالوبتالاکتامازها در *Pseudomonas aeruginosa* مقاوم به کارباپنم های جدا شده از نمونه های بالینی در بیمارستان امام خمینی و گلستان شهر اهواز
- ۳- بررسی وجود ژن های کد کننده ی متالوبتالاکتاماز و اگزاسیلیناز در آسیتوباکتر بومانی جدا شده از نمونه های بالینی، تیپ بندی باکتری از طریق انگشت نگاری ژنومی به روش rep-PCR و اندازه گیری میزان بیان ژن پمپ افلاکس *adeB* از طریق Real Time PCR
- ۴- مطالعه ژنتیک مولکولی و پیوستگی ژنتیکی بیماران مبتلا به سندرم ولفرام
- ۵- غربالگری ژنتیکی لوکوس های ناشنوایی در نمونه های استان خراسان جنوبی
- ۶- مطالعه پیوستگی ژنتیکی بیماران ایرانی مبتلا به ناشنوایی غیر سندرمی با وارث مغلوب اتوزومی به لوکوسهای ژنتیکی شایع
- ۷- مطالعه پیوستگی ژنتیکی (Genetic Linkage and Genome-wide scan) بیماران ایرانی مبتلا به بیماری ناشنوایی مغلوب اتوزومی غیر سندرمی
- ۸- بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن CD4 با بیماری ویتیلیگو در جمعیت ایرانی
- ۹- بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن CD4 دیابت نوع یک بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن

- ۱۰- بررسی ارتباط پلی مورفیسم ژن های APOE و ACE با بیماری قلبی کرونری
- ۱۱- بررسی دخالت ژن HRAS در سرطان های تیروئید
- ۱۲- مطالعه پیوستگی ژنتیکی (Genetic Linkage and Genome-wide scan) بیماران ایرانی مبتلا به بیماری ناشنوایی مغلوب اتوزومی غیر سندرمی در استان اصفهان
- ۱۳- پیش بینی لینک در شبکه های بیولوژیکی ساخته شده از داده های بیان ژن مربوط به زیرگروه های سرطان سینه
- ۱۴- بهبود تخمین میزان آسیب رسانی واریانت های ژنتیکی غیر مترادف به کمک مدل های تجمعی
- ۱۵- نقشه برداری ژنتیکی کوتاهی قد در خانواده های درون آمیز در منطقه میان آب استان چهارمحال بختیاری
- ۱۶- پیاده سازی و بهینه سازی مرحله سوم آنالیز داده های نسل نوین توالی یابی (NGS) برای بیماران ناشنوایی ارثی
- ۱۷- مطالعه برون تنی اثر کارواکرول بر روی پروتواسکولکس های کیست هیداتیک و بررسی ژن های افزایش بیان یافته پروتواسکولکس های در معرض کارواکرول با استفاده از روش RNA Seq و تایید آن با روش Real-time PCR
- ۱۸- مطالعه برون تنی اثر کارواکرول بر روی پروتواسکولکس های کیست هیداتیک و بررسی ژن های کاهش بیان یافته پروتواسکولکس های در معرض کارواکرول با استفاده از روش RNA Seq و تایید آن با روش Real-time PCR
- ۱۹- بررسی اثر کارواکرول بر روی پروتواسکولکس های کیست هیداتیک در شرایط برون تنی و بررسی ژن های تغییر بیان یافته در مسیر آپوپتوز در پروتواسکولکس های در معرض کارواکرول با استفاده از روش RNA Seq و تایید آن با روش Real-time PCR
- ۲۰- بررسی مهاجرت و تمایز سلول های بنیادی مزانشیم بند ناف به ماتریکس خارج سلولی تیمار شده با منوفسفولپید آ و شیره لاکتوباسیلوس کازی
- ۲۱- بررسی ژنتیکی بیماری هایپرپلازی مادزادی آدرنال (CAH) در استانهای چهارمحال و بختیاری و اصفهان
- ۲۲- بررسی توکسوپلاسموزیس حاد و مزمن در بیماران دیالیز صفاقی، همودیالیز کوتاه مدت، بلند مدت و دریافت کنندگان پیوند کلیه با استفاده از تکنیک الیزا و PCR در استان مرکزی

- ۲۳- بررسی اثرات ضد سرطانی نانو میسل کورکومین و بربرین و ترکیب آنها با دارو استاندارد FU-۵ در سلول های سرطانی سینه
- ۲۴- ارزیابی اثرات ضد توموری دارو های ۹۷۴LGK و Aspirin در مسیر های پیام رسانی سلول، چرخه سلولی و آپوپتوز در رده های سلولی سرطان کولورکتال در مقایسه با دارو استاندارد اگزالوپلاتین
- ۲۵- بررسی بازآرایی های ژنومیک و جهش های بزرگ ژن های MLH ۱ و MSH ۲ در بیماران سه خانواده بزرگ مبتلا به سندروم شبه لینچ شناسایی شده از میان مبتلایان به سرطان های فامیلی کولورکتال ساکن استان های اصفهان و چهارمحال و بختیاری
- ۲۶- طراحی و پیاده سازی روند پردازشی بهینه به منظور تحلیل خودکار داده های نسل جدید توالی یابی مربوط به ناشنوایی ارثی توسط ابزارهای منبع باز
- ۲۷- بررسی سه خانواده مبتلا به دیابت بارز شده در بلوغ جوانی (MODY) جهت شناسایی پروفایل سبب شناسی ژنتیکی با استفاده از روش NGS در جمعیت استان اصفهان
- ۲۸- بررسی پیوستگی ژنهای B, IPF\HNF ۱ در بیماران مشکوک به دیابت جوانی (MODY) در شهر اصفهان
- ۲۹- بررسی ژنومی (توالی یابی اگزوم) در یک خانواده بزرگ دارای ناشنوایی شدید تا عمیق غیر سندرمی مغلوب اتوزومی به منظور شناسایی سبب شناختی ژنتیکی
- ۳۰- ارزیابی و بهینه سازی تعیین ژنوتیپ مارکر های تکراری کوتاه پشت سر هم STR برای ردیابی ناپایداری میکروساتلیت ها به منظور ساخت کیت
- ۳۱- نقشه برداری ژنتیکی بیماری اتوزومال مغلوب شایع کوتاه قدی در یک جمعیت درون آمیز ایرانی

1. Aghaei, S., Farrokhi, E., Hoseinzadeh, M., Molavi, N., Hashemipour, M., Rostampour, N., Asgharzadeh, S. and **Tabatabaiefar, M.A.**, 2023. New molecular insights into the A218V variant impact on the steroidogenic acute regulatory protein (STAR) associated with 46, XY disorders of sexual development. *Molecular Genetics and Genomics*, 298(3), pp.693-708.
2. Abdollahi, Z., **Tabatabaiefar, M.A.**, Emami, M.H. and Zeinalian, M., 2023. Lynch-like Syndrome and its Molecular Approaches: A Brief Report and Literature Review. *Middle East Journal of Cancer*, 14(2), pp.300-308.
3. Ataei, Z., Nouri, Z., Tavakoli, F., Pourreza, M.R., Narrei, S. and **Tabatabaiefar, M.A.**, 2023. Novel in-frame duplication variant characterization in late infantile metachromatic leukodystrophy using whole-exome sequencing and molecular dynamics simulation. *Plos one*, 18(2), p.e0282304.
4. Khorram, E., **Tabatabaiefar, M.A.**, Yaghini, O., Khorrami, M., Yazdani, V., Fakhri, F., Amini, M. and Kheirollahi, M., 2023. Griscelli syndrome type 1: a novel pathogenic variant, and review of literature. *Molecular Genetics and Genomics*, pp.1-9.
5. Hoseinzadeh M, Molavi N, Norouzi M, Aghaei S, Zeinalian M, Hashemipour M, **Tabatabaiefar MA**. A Novel Homozygous Pathogenic Variant in CYP11B1 in a Female Iranian Patient with 11B Hydroxylase Deficiency. *Laboratory Medicine*. 2022 Dec 9.
6. Aghaei, S., Parvizpour, S., Farrokhi, E., Molavi, N., Hoseinzadeh, M. and **Tabatabaiefar, M.A.**, 2022. Characterization of a novel androgen receptor gene variant identified in an Iranian family with complete androgen insensitivity syndrome (CAIS): a molecular dynamics simulation study. *Journal of Biomolecular Structure and Dynamics*, pp.1-15.
7. Siavash Moakhar R, del Real Mata C, Jalali M, Shafique H, Sanati A, de Vries J, Strauss J, AbdElFatah T, Ghasemi F, McLean M, I. Hosseini I. A Versatile Biomimic Nanotemplating Fluidic Assay for Multiplex Quantitative Monitoring of Viral Respiratory Infections and Immune Responses in Saliva and Blood. *Advanced Science*. 2022 Nov;9(33):2204246.
8. Shakarami F, Jahani M, Nouri Z, **Tabatabaiefar MA**. X-linked mental retardation-hypotonic facies syndrome: Exome sequencing identifies novel clinical characteristics associated with c. 5182G> C mutation in the ATRX gene. *Molecular Genetics & Genomic Medicine*. 2022 Oct;10(10):e2034.
9. Nouri Z, Sarmadi A, Narrei S, Sehhati M, **Tabatabaiefar MA**. Whole exome sequencing identified a novel LAMA2 frameshift variant causing merosin-deficient congenital muscular dystrophy in a patient with cardiomyopathy, and autism-like behavior. *Neuromuscular Disorders*. 2022 Sep 1;32(9):776-84.
10. Abdollahi Z, **Tabatabaiefar MA**, Emami MH, Zeinalian M. Lynch-like Syndrome and its Molecular Approaches: A Brief Report and Literature Review. *Middle East Journal of Cancer*. 2022 Jun 22.
11. Moakhar RS, del Real Mata C, Jalali M, Shafique H, Sanati A, de Vries J, Strauss J, Fatah TA, Ghasemi F, McLean M, Hosseini II. (Digital Presentation) An Imprinted

- Polymer Assay for the Rapid Impedimetric Detection of Sars-Cov-2 Antibodies in Whole Blood. In 241st ECS Meeting (May 29-June 2, 2022) 2022 May 31. ECS.
12. Sehhati M, **Tabatabaiefar MA**, Gholami AH, Sattari M. Using classification and K-means methods to predict breast cancer recurrence in gene expression data. *Journal of Medical Signals and Sensors*. 2022 May 14;12(2):122-6.
 13. Abdollahi Z, **Tabatabaiefar MA**, Noruzi M, Miar P, Kazemi M, Naimi A, Emami MH, Zeinalian M. A Simplified Protocol for Microsatellite Instability Evaluation in Iranian Patients at Risk for Lynch Syndrome. *Laboratory Medicine*. 2022 May;53(3):235-41.
 14. Hajibabaie F, Abedpoor N, Assareh N, **Tabatabaiefar MA**, Shariati L, Zarrabi A. The importance of SNPs at miRNA binding sites as biomarkers of gastric and colorectal cancers: a systematic review. *Journal of Personalized Medicine*. 2022 Mar 14;12(3):456.
 15. Nasrniya S, Miar P, Narrei S, Sepehrnejad M, Nilforoush MH, Abtahi H, **Tabatabaiefar MA**. Whole-exome sequencing identifies a recurrent small in-frame deletion in MYO15A causing autosomal recessive nonsyndromic hearing loss in 3 Iranian pedigrees. *Laboratory Medicine*. 2022 Mar;53(2):111-22.
 16. Miar P, **Tabatabaiefar MA**, Abdollahi Z, Noruzi M, Kazemi M, Naimi A, Emami MH, Izadi S, Zeinalian M. BAT25, ACVR2, and TGFBR2 mononucleotide STR markers: A triplex panel for microsatellite instability testing in colorectal tumors. *Advanced Biomedical Research*. 2022 Jan 1;11(1):79.
 17. Arani AA, Sehhati M, **Tabatabaiefar MA**. Predicting deleterious missense genetic variants via integrative supervised nonnegative matrix tri-factorization. *Scientific reports*. 2021 Dec 9;11(1):1-3.
 18. Sajjadi RS, Modarressi MH, **Tabatabaiefar MA**. JPX and LINC00641 ncRNAs expression in prostate tissue: a case-control study. *Research in Pharmaceutical Sciences*. 2021 Oct;16(5):493.
 19. Sajjadi RS, Modarressi MH, Akbarian F, **Tabatabaiefar MA**. A Computational Framework to Infer Prostate Cancer-Associated Long Noncoding RNAs and Analyses for Identifying a Competing Endogenous RNA Network. *Genetic Testing and Molecular Biomarkers*. 2021 Sep 1;25(9):582-9.
 20. Zeinalian M, Emami MH, Pourreza MR, **Tabatabaiefar MA**, Hashemzadeh-Chaleshtori M. Somatic BRAF V600E Mutation in Familial Colorectal Cancer Type X: A New Study in Central Iran. *Jentashapir Journal of Cellular and Molecular Biology*. 2021 Jun 30;12(2).
 21. Khorrami M, **Tabatabaiefar MA**, Khorram E, Yaghini O, Rezaei M, Hejazifar A, Riahinezhad M, Kheirollahi M. Homozygous TFG gene variants expanding the mutational and clinical spectrum of hereditary spastic paraplegia 57 and a review of literature. *Journal of Human Genetics*. 2021 Mar 25:1-9.
 22. Shahhoseini M, Molavi N, **Tabatabaiefar MA**, Sehhati M. Implementation and Optimization of Annotation and Interpretation Step of Next-Generation Sequencing Data for Non-Syndromic Autosomal Recessive Hearing Loss. *Journal of Health and Biomedical Informatics*. 2021 Mar 10;7(4):435-44.

23. Norouzi M, Shafiei M, Abdollahi Z, Miar P, Galehdari H, Emami MH, Zeinalian M, **Tabatabaiefar MA**. WRN Germline Mutation Is the Likely Inherited Etiology of Various Cancer Types in One Iranian Family. *Frontiers in oncology*. 2021 Jun 7;11:648649.
24. Koohiyan M, Hashemzadeh-Chaleshtori M, **Tabatabaiefar MA**. Molecular diagnosis of SLC26A4-related hereditary hearing loss in a group of patients from two provinces of Iran. *Intractable & Rare Diseases Research*. 2021 Feb 28;10(1):23-30.
25. Abbasalian ZJ, Khanahmad H, **Tabatabaiefar MA**. Bisulfite treatment of CG-rich track of trinucleotide repeat expansion disorder: Make the sequence less CG rich. *Advanced Biomedical Research*. 2021;10.
26. Arani AA, Sehhati M, **Tabatabaiefar MA**. Genetic variant effect prediction by supervised nonnegative matrix tri-factorization. *Molecular Omics*. 2021;17(5):740-51.
27. Miar P, Narrei S, **Tabatabaiefar MA**, Pourreza MR, Hashemzadeh-Chaleshtori M, Emami MH, Zeinalian M. A Novel Stop-Gain Mutation in MSH2 Gene Among a Persian Family Fulfilling Classic Amsterdam Criteria for Lynch Syndrome.
28. Pourahmadiyan A, Alipour P, Golchin N, **Tabatabaiefar MA**. Next-generation sequencing reveals a novel pathogenic variant in the ATM gene. *International Journal of Neuroscience*. 2021 Jan 22:1-5.
29. Nodehi HM, **Tabatabaiefar MA**, Sehhati M. Selection of optimal bioinformatic tools and proper reference for reducing the alignment error in targeted sequencing data. *Journal of Medical Signals and Sensors*. 2021 Jan 6;11(1):37-44.
30. Sobhani M, **Tabatabaiefar MA**, Ghafouri-Fard S, Rajab A, Hojjat A, Kajbafzadeh AM, Noori-Dalooi MR. Clinical and genetic analysis of two wolfram syndrome families with high occurrence of wolfram syndrome and diabetes type II: a case report. *BMC Med Genet*. 2020 Jan 14;21(1):13. doi: 10.1186/s12881-020-0950-4.
31. Koohiyan M, Reisi S, Azadegan-Dehkordi F, Salehi M, Abtahi H, Hashemzadeh-Chaleshtori M, Noori-Dalooi MR, **Tabatabaiefar MA** Screening of 10 DFNB Loci Causing Autosomal Recessive Non-Syndromic Hearing Loss in Two Iranian Populations Negative for GJB2 Mutations. *Iran J Public Health*. 2019 Sep;48(9):1704-1713.
32. Sayyari M, Salehzadeh A, **Tabatabaiefar MA**, Abbasi A. Genetic polymorphisms of Y-chromosome short tandem repeats (Y-STRs) in a male population from Golestan province, Iran. *Mol Biol Res Commun*, 2020, 11-16

33. Ahmadi Shadmehri A, Darbouy M, **Tabatabaiefar MA**, Tavakkoly Bazzaz J. A 15; 15 Translocation in a couple with Repeated Abortions: Case report. *Int J Res Applied Basic Med Sci* 2020 6 (1): 14-17
34. Sadeghian L, **Tabatabaiefar MA**, Chaleshtori MH. Genetic linkage analysis of DFNB22 in families with autosomal recessive non-syndromic hearing loss in Khuzestan province. *J Shahrekord Uni oMed Sci* 2020 21 (5), 200-203
35. Sobhani M, Tahmasbi P, Nasiri F, Rahnama M, Karimi-Nejad R, **Tabatabaiefar MA**. A Patient with Trisomy 4p and Monosomy 10q. *Arch Iran Med*. 2019 Jul 1;22(7):414-417.
36. Mohammadi A, Eskandari A, Sarmadi A, Rahimi M, Iraj B, Hashemipour M, Chaleshtori MH, **Tabatabaiefar MA**. Genetic Study of Hepatocyte Nuclear Factor 1 Alpha Variants in Development of Early-Onset Diabetes Type 2 and Maturity-Onset Diabetes of the Young 3 in Iran. *Adv Biomed Res*. 2019 Sep 23;8:55. doi: 10.4103/abr.abr_54_19.
37. Koohiyan M, Noori-Dalooi MR, Hashemzadeh-Chaleshtori M, Salehi M, Abtahi H, **Tabatabaiefar MA**. A Novel Pathogenic Variant in the CABP2 Gene Causes Severe Nonsyndromic Hearing Loss in a Consanguineous Iranian Family. *Audiol Neurootol*. 2019;24(5):258-263. doi: 10.1159/000502251. Epub 2019 Oct 29.
38. Mohammadi Z, Karamzadeh A, **Tabatabaiefar MA**, Khanahmad H, Shariati L. Evidence for expression of promoterless GFP cassette: Is GFP an ideal reporter gene in biotechnology science? *Res Pharm Sci*. 2019 Aug;14(4):351-358. doi: 10.4103/1735-5362.263559.
39. **Tabatabaiefar MA**, Sajjadi RS, Narrei S. Epigenetics and Common Non communicable Disease. *Adv Exp Med Biol*. 2019;1121:7-20. doi: 10.1007/978-3-030-10616-4_2
40. Sobhani M, **Tabatabaiefar MA**, Ghafouri-Fard S, Rajab A, Mozafarpour S, Nasrniya S, Kajbafzadeh A, Noori-Dalooi Noori-Dalooi MR. Clinical and molecular assessment of 13 Iranian families with Wolfram syndrome. *Endocrine*. 2019 Jul 16, 1-7 doi: 10.1007/s12020-019-02004-w
41. Pourreza MR, Sobhani M, Rahimi A, Aramideh M, Kajbafzadeh AM, Noori-Dalooi MR, **Tabatabaiefar MA**. Homozygosity mapping and direct sequencing identify a novel pathogenic variant in the CISD2 gene in an Iranian Wolfram syndrome family. *Acta Diabetol*. 2019 Jul 15. doi: 10.1007/s00592-019-01381-y.
42. Pourahmadiyan A, Alipour P, Fattahi N, Kasiri M, Rezaeian F, Taghipour-Sheshdeh A, Mohammadi-Asl J, **Tabatabaiefar MA**, Hashemzadeh Chaleshtori M. A pathogenic variant in SLC26A4 is associated with Pendred syndrome in a consanguineous Iranian family. *Int J Audiol*. 2019 Jun 12:1-7. doi: 10.1080/14992027.2019.1619945

43. Sadeghian L, **Tabatabaiefar MA**, Fattahi N, Pourreza MR, Tahmasebi P, Alavi Z, Hashemzadeh Chaleshtori M. Next-generation sequencing reveals a novel pathological mutation in the TMC1 gene causing autosomal recessive non-syndromic hearing loss in an Iranian kindred. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol*. 2019 May 21;124:99-105. doi: 10.1016/j.ijporl.2019.05.023. [Epub ahead of print]
44. Zarepour N, Koohiyan M, Taghipour-Sheshdeh A, Nemati-Zargarani F, Saki N, Mohammadi-Asl J, **Tabatabaiefar MA**, Hashemzadeh-Chaleshtori M. Identification and Clinical Implications of a Novel MYO15A Variant in a Consanguineous Iranian Family by Targeted Exome Sequencing. *Audiol Neurootol*. 2019;24(1):25-31
45. Sayyari M, Salehzadeh A, **Tabatabaiefar MA**, Abbasi A. Profiling of 17 Y-STR loci in Mazandaran and Gilan provinces of Iran. *Turk J Med Sci*. 2019 Mar 21;49(2). doi: 10.3906/sag-1808-179.
46. Shariati L, Modarressi MH, **Tabatabaiefar MA**, Kouhpayeh S, Hejazi Z, Shahbazi M, Sabzehei F, Salehi M, Khanahmad H. Engineered zinc-finger nuclease to generate site-directed modification in the KLF1 gene for fetal hemoglobin induction. *J Cell Biochem*. 2018 Dec 16. doi: 10.1002/jcb.28130.
47. Azadegan-Dehkordi F, Bahrami T, Shirzad M, Karbasi G, Yazdanpanahi N, Farrokhi E, Koohiyan M, **Tabatabaiefar MA**, Hashemzadeh-Chaleshtori M. Mutations in GJB2 as Major Causes of Autosomal Recessive Non-Syndromic Hearing Loss: First Report of c.299-300delAT Mutation in Kurdish Population of Iran. *J Audiol Otol*. 2019 Jan;23(1):20-26.
48. Pourreza MR, Mohammadi H, Sadeghian L, Asgharzadeh S, Sehati M, **Tabatabaiefar MA**. Applying Two Different Bioinformatic Approaches to Discover Novel Genes Associated with Hereditary Hearing Loss via Whole-Exome Sequencing: ENDEAVOUR and HomozygosityMapper. *Adv Biomed Res*. 2018 Oct 31;7:141. doi: 10.4103/abr.abr_80_18.
49. Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Yazdanpanah M, Darabi E, Bahrami T, Zekri A, Noori-Dalooi MR. A Comprehensive Genetic and Clinical Evaluation of Waardenburg Syndrome Type II in a Set of Iranian Patients. *Int J Mol Cell Med*. 2018 Winter;7(1):17-23.
50. Shadmehri AA, Fattahi N, Pourreza MR, Koohiyan M, Zarifi S, Darbouy M, Sharifi R, Tavakkoly Bazzaz J, **Tabatabaiefar MA**. Molecular genetic study of glutaric aciduria, type I: Identification of a novel mutation. *J Cell Biochem*. 2018 Sep 11.
51. Azadegan-Dehkordi F, Ahmadi R, Bahrami T, Yazdanpanahi N, Farrokhi E, **Tabatabaiefar MA**, Hashemzadeh-Chaleshtori M. A novel variant of SLC26A4 and first report of the c.716T>A variant in Iranian pedigrees with non-syndromic sensorineural hearing loss. *Am J Otolaryngol*. 2018 Nov - Dec;39(6):719-725.
52. Taghipour-Sheshdeh A, Nemati-Zargarani F, Zarepour N, Tahmasebi P, Saki N, **Tabatabaiefar MA**, Mohammadi-Asl J, Hashemzadeh-Chaleshtori M. A novel pathogenic variant in the MARVELD2 gene causes autosomal recessive non-syndromic hearing loss in an Iranian family. *Genomics*. 2018 May 9.

53. Asgharzade S, **Tabatabaiefar MA**, Mohammadi-Asl J, Chaleshtori MH. A novel missense mutation in GIPC3 causes sensorineural hearing loss in an Iranian family revealed by targeted next-generation sequencing. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol*. 2018 May;108:8-11
54. Asemani S, Montazeri V, Baradaran B, Tabatabaiefar MA, Pirouzpanah S. The Effects of Berberis Vulgaris Juice on Insulin Indices in Women with Benign Breast Disease: A Randomized Controlled Clinical Trial. *Iran J Pharm Res* 17 (Suppl), 110
55. Moridnia A, **Tabatabaiefar MA**, Zeinalian M, Minakari M, Kheirollahi M, Moghaddam NA. Novel Variants and Copy Number Variation in CDH1 Gene in Iranian Patients with Sporadic Diffuse Gastric Cancer. *J Gastrointest Cancer*. 2018 Mar 26. doi: 10.1007/s12029-018-0082-7.
56. Koochyan M, Hashemzadeh-Chaleshtori M, Salehi M, Abtahi H, Reisi S, Pourreza MR, Noori-Dalooi MR, **Tabatabaiefar MA**. GJB2 mutations causing autosomal recessive non-syndromic hearing loss (ARNSHL) in two Iranian populations: Report of two novel variants. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol*. 2018 Apr;107:121-126.
57. **Tabatabaiefar MA**, Pourreza MR, Tahmasebi P, Saki N, Hashemzadeh Chaleshtori M, Salehi R, Mohammadi-Asl J. A Novel Pathologic Variant in OTOF in an Iranian Family Segregating Hereditary Hearing Loss. *Otolaryngol Head Neck Surg*. 2018 Jun;158(6):1084-1092
58. Darzi L, Boshtam M, Shariati L, Kouhpayeh S, Gheibi A, Mirian M, Rahimmanesh I, Khanahmad H, **Tabatabaiefar MA**. The silencing effect of miR-30a on ITGA4 gene expression in vitro: an approach for gene therapy. *Res Pharm Sci*. 2017 Dec;12(6):456-464.
59. Rostami S, Farajzadeh Sheikh A, Shoja S, Farahani A, **Tabatabaiefar MA**, Jolodar A, Sheikhi R. Investigating of four main carbapenem-resistance mechanisms in high-level carbapenem resistant *Pseudomonas aeruginosa* isolated from burn patients. *J Chin Med Assoc*. 2018 Feb;81(2):127-132. doi: 10.1016/j.jcma.2017.08.016.
60. Modares Sadeghi M, Shariati L, Hejazi Z, Shahbazi M, **Tabatabaiefar MA**, Khanahmad H. Inducing indel mutation in the SOX6 gene by zinc finger nuclease for gamma reactivation: An approach towards gene therapy of beta thalassemia. *J Cell Biochem*. 2018 Mar;119(3):2512-2519.
61. **Tabatabaiefar MA**, Alipour P, Pourahmadiyan A, Fattahi N, Shariati L, Golchin N, Mohammadi-Asl J. A novel pathogenic variant in an Iranian Ataxia telangiectasia family revealed by next-generation sequencing followed by in silico analysis. *J Neurol Sci*. 2017 Aug 15;379:212-216.
62. Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Bahrami T, Karbasi G, Bahramian MH, Salimpour A, Noori-Dalooi MR. A Novel Pathogenic Variant in the MITF Gene Segregating with a Unique Spectrum of Ocular Findings in an Extended Iranian Waardenburg Syndrome Kindred. *Mol Syndromol*. 2017 Jun;8(4):195-200.
63. Soltani M, **Tabatabaiefar MA**, Mohsenifar Z, Pourreza MR, Moridnia A, Shariati L, Razavi SM. Genetic study of the BRAF gene reveals a new variants and high

- frequency of the V600E mutation among Iranian ameloblastoma patients. *J Oral Pathol Med*. 2017 Jun 26. doi: 10.1111/jop.12610. [Epub ahead of print]
64. Mohammadi-Asl J, Pourreza MR, Mohammadi A, Eskandari A, Mozafar-Jalali S, **Tabatabaiefar MA**. A novel pathogenic variant in the FZD6 gene causes recessive nail dysplasia in a large Iranian kindred. *J Dermatol Sci*. 2017 May 13. pii: S0923-1811(17)30084-1.
 65. Asgharzade S, Reisi S, **Tabatabaiefar MA**, Chaleshtori MH. Screening of Myo7A Mutations in Iranian Patients with Autosomal Recessive Hearing Loss from West of Iran. *Iran J Public Health*. 2017 Jan;46(1):76-82.
 66. Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Alimadadi H, Noori-Dalooi MR. SOX10 mutation causes Waardenburg syndrome associated with distinctive phenotypic features in an Iranian family: A clue for phenotype-directed genetic analysis. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol*. 2017 May;96:122-126.
 67. Ghasemikhah R, **Tabatabaiefar MA**, Shariatzadeh SA, Shahbazi A, Hazratian T. A PCR-Based Molecular Detection of Strongyloides stercoralis in Human Stool Samples from Tabriz City, Iran. *Sci Pharm*. 2017 Mar 27;85(2).
 68. Saffari-Chaleshtori J, **Tabatabaiefar MA**, Ghasemi-Dehkordi P, Farrokhi E, Moradi MT, Hashemzadeh-Chaleshtori M. The lack of correlation between TP53 mutations and gastric cancer: A report from a province of Iran. *Genetika* 03/2017; 49 (1):235-246.
 69. Shariati L, Khanahmad H, Salehi M, Hejazi Z, Rahimmanesh I, **Tabatabaiefar MA**, Modarressi MH. Genetic disruption of the KLF1 gene to overexpress the γ -globin gene using the CRISPR/Cas9 system. *J Gene Med*. 2016 Oct;18(10):294-301.
 70. Asgarzadeh S, Chaleshtori MH, **Tabatabaiefar MA**, Reisi S, Modarressi MH. Mutation in second exon of MYO15A gene cause of nonsyndromic hearing loss and its association in the Arab population in Iran. *Genetika*,2016; 48: 2587-596.
 71. Fathi N, Mohammadi R, **Tabatabaiefar MA**, Ghahri M, Sadrossadati SZ. Sequence-identification of Candida species isolated from candidemia. *Adv Biomed Res*. 2016 Sep 26;5:150.
 72. Reisi S, **Tabatabaiefar MA**, Sanati MH, Chaleshtori MH. Screening of DFNB3 in Iranian families with autosomal recessive non-syndromic hearing loss reveals a novel pathogenic mutation in the MyTh4 domain of the MYO15A gene in a linked family. *Iran J Basic Med Sci*. 2016 Jul;19(7):772-8.
 73. Shoja S, Moosavian M, Rostami S, Abbasi F, **Tabatabaiefar MA**, Peymani A. Characterization of Oxacillinase and Metallo- β -Lactamas Genes and Molecular Typing of Clinical Isolates of Acinetobacter baumannii in Ahvaz, South-West of Iran. *Jundishapur J Microbiol*. 2016 Feb 13;9(5):e32388.
 74. Shariati L, Validi M, Hasheminia AM, Ghasemikhah R, Kianpour F, Karimi A, Nafisi MR, **Tabatabaiefar MA**. Staphylococcus aureus Isolates Carrying Panton-Valentine

Leucocidin Genes: Their Frequency, Antimicrobial Patterns, and association With Infectious Disease in Shahrekord City, Southwest Iran. *Jundishapur J Microbiol.* 2016 Jan 2;9(1):e28291.

75. Shariati L, Modarress M, Khanahmad H, Hejazi Z, **Tabatabaiefar MA**, Salehi M, Modarressi MH. Comparison of different methods for erythroid differentiation in the K562 cell line. *Biotechnol Lett.* 2016 Aug;38(8):1243-50.
76. Pourzadegan F, Shariati L, Taghizadeh R, Khanahmad H, Mohammadi Z, **Tabatabaiefar MA**. Using intron splicing trick for preferential gene expression in transduced cells: an approach for suicide gene therapy. *Cancer Gene Ther.* 2016 Jan;23(1):7-12.
77. Khosravi A, Javan B, **Tabatabaiefar MA**, Ebadi H, Fathi D, Shahbazi M. Association of interleukin-1 gene cluster polymorphisms and haplotypes with multiple sclerosis in an Iranian population. *J Neuroimmunol.* 2015 Nov 15;288:114-9.
78. Azadegan-Dehkordi F, Bagheri N, Shirzad M, Sanei MH, Hashemzadeh-Chaleshtori M, Rafieian-Kopaei M, **Tabatabaiefar MA**, Shirzad H. Correlation Between Mucosal IL-6 mRNA Expression Level and Virulence Factors of *Helicobacter pylori* in Iranian Adult Patients With Chronic Gastritis. *Jundishapur J Microbiol.* 2015 Aug 29;8(8):e21701.
79. Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Farhadi M, Bahrami T, Noori-Dalooi MR. A novel mutation in the PAX3 gene causes Waardenburg syndrome type I in an Iranian family. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol.* 2015 Oct;79(10):1736-40.
80. Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Farhadi M, Bahrami T, Emamdjomeh H, Noori-Dalooi MR. Molecular and clinical characterization of Waardenburg syndrome type I in an Iranian cohort with two novel PAX3 mutations. *Gene.* 2015 Dec 15; 574(2):302-7.
81. Farrokhi E, Samani KG, Chaleshtori MH, **Tabatabaiefar MA**. Effect of Oxidized Low Density Lipoprotein on the Expression of Runx2 and SPARC Genes in Vascular Smooth Muscle Cells. *Iran Biomed J.* 2015;19(3):160-4.
82. Mohammadi Z, Shariati L, Khanahmad H, Kolahdouz M, Kianpoor F, Ghanbari JA, Hejazi Z, Salehi M, Nikpour P, **Tabatabaiefar MA**. A Lentiviral Vector Expressing Desired Gene Only in Transduced Cells: An Approach for Suicide Gene Therapy. *Mol Biotechnol.* 2015 Sep;57(9):793-800.
83. Asl JM, Almasi S, **Tabatabaiefar MA**. High frequency of BRAF proto-oncogene hot spot mutation V600E in cohort of colorectal cancer patients from Ahvaz City, southwest Iran. *Pak J Biol Sci.* 2014 Apr;17(4):565-9.

84. Farajzadeh Sheikh A, Rostami S, Jolodar A, **Tabatabaiefar MA**, Khorvash F, Saki A, Shoja S, Sheikhi R. Detection of Metallo-Beta Lactamases Among Carbapenem-Resistant *Pseudomonas aeruginosa*. *Jundishapur J Microbiol*. 2014 ov;7(11):e12289.
85. Moosavian M, Shoja S, Nashibi R, Ebrahimi N, **Tabatabaiefar MA**, Rostami S, Peymani A. Post Neurosurgical Meningitis due to Colistin Heteroresistant *Acinetobacter baumannii*. *Jundishapur J Microbiol*. 2014 Oct;7(10):e12287.
86. Reisi S, Sanati MH, **Tabatabaiefar MA**, Ahmadian S, Reisi S, Parchami S, Porjafari H, Shahi H, Shavarzi A, Hashemzade Chaleshtori M. The Study of SLC26A4 Gene Causing Autosomal Recessive Hearing Loss by Linkage Analysis in a Cohort of Iranian Populations. *Int J Mol Cell Med*. 2014 Summer;3(3):176-82.
87. Yazdanpanahi N, **Tabatabaiefar MA**, Bagheri N, Azadegan Dehkordi F, Farrokhi E, Hashemzadeh Chaleshtori M. The role and spectrum of SLC26A4 mutations in Iranian patients with autosomal recessive hereditary deafness. *Int J Audiol*. 2015 Feb;54(2):124-30.
88. Sobhani M, **Tabatabaiefar MA**, Rajab A, Kajbafzadeh AM, Noori-Dalooi MR. Significant expressivity of Wolfram syndrome: phenotypic assessment of two known and one novel mutation in the WFS1 gene in three Iranian families. *Mol Biol Rep*. 2014 Nov;41(11):7499-505.
89. Masbi MH, Mohammadiasl J, Galehdari H, Ahmadzadeh A, **Tabatabaiefar MA**, Golchin N, Haghpanah V, Rahim F. Characterization of Wild-Type and Mutated RET Proto- Oncogene Associated with Familial Medullary Thyroid Cancer. *Asian Pac J Cancer Prev*. 2014;15(5):2027-33.
90. Reisi S, M Hashemzade-chalesshtori M, Reisi S, Shahi H, Parchami S, **Tabatabaiefar MA**, Minuchehr Z. Protein structure prediction of human connexin 30 and its mutations in hearing system. *Journal of Biology and Today's World*. 2014; 3 (5):109-112
91. Mortezae FT, **Tabatabaiefar MA**, Chaleshtori MH, Miraj S. Lack of Association between *ESR1* and *CYP11A1* Gene Polymorphisms and Susceptibility to Uterine Leiomyoma in A Cohort of Iranian Women. *Cell J*. 2013 Jun 1;16(2). pii: CellJ.2014.16(2).15
92. Ahmadvand M, Noruzinia M, Dehghani Fard A, Montazer Zohour M, Tabatabaiefar MA, Soleimani M, Kaviani S, Abroun S, Beiranvand S, Saki N. The Role of Epigenetics in the Induction of Fetal Hemoglobin: A Combination Therapy Approach. *Int J Hematol Oncol Stem Cell Res* 2014;8(1): 9-14.

93. Mohammadi Asl J, Almasi S, **Tabatabaiefar MA**. High frequency of BRAF proto-oncogene hot spot mutation V600E in cohort of colorectal cancer patients from Ahvaz city, Southwest Iran. *Pak J Biol Sci*, 2014;17 (4):565-569 DOI: 10.3923/pjbs.2013.
94. Shoja S, Moosavian M, Peymani A, **Tabatabaiefar MA**, Rostami S, Ebrahimi N. Genotyping of carbapenem resistant *Acinetobacter baumannii* isolated from tracheal tube discharge of hospitalized patients in intensive care units, Ahvaz, Iran. *Iran J Microbiol* 2013;5(4): 315-322.
95. Yazdanpanahi N, **Tabatabaiefar MA**, Farrokhi E, Abdian N, Bagheri N, Shahbazi S, Noormohammadi Z, Chaleshtori MH. Compound Heterozygosity for Two Novel SLC26A4 Mutations in a Large Iranian Pedigree with Pendred Syndrome. *Clin Exp Otorhinolaryngol*. 2013 Dec;6(4):201-8. doi: 10.3342/ceo.2013.6.4.201.
96. Mohammadi Asl J, **Tabatabaiefar MA**, Galehdari H, Riahi K, Masbi MH, Zargar Shoshtari Z, Rahim F. UGT1A1 gene mutation due to Crigler-Najjar syndrome in Iranian patients: identification of a novel mutation. *Biomed Res Int*. 2013;2013:342371. doi: 10.1155/2013/342371.
97. Taghizadeh SH, Kazeminezhad SR, Sefidgar SA, Yazdanpanahi N, **Tabatabaiefar MA**, Yousefi A, Lesani SM, Abolhasani M, Chaleshtori MH. Investigation of LRTOMT gene (locus DFNB63) mutations in Iranian patients with autosomal recessive nonsyndromic hearing loss. *JMCM*. 2013, 2 (5): 41-45.
98. Shekouhi S, Baghbani F, Hasanzadeh M, Hamzeloie T, Abbaszadegan MR, Saghafi N, Raoofian R, Zavar-Reza J, Ahmadzadeh S, **Tabatabaiefar MA**, Mojarrad M. Identification of Xq22.1-23 as a region linked with hereditary recurrent spontaneous abortion in a family. *Iran J Reprod Med* 2013; 11(8): 659-664.
99. Dehkordi FA, Rashki A, Bagheri N, Chaleshtori MH, Memarzadeh E, Salehi A, Ghatreh H, Zandi F, Yazdanpanahi N, **Tabatabaiefar MA**, Chaleshtori MH. Study of VSX1 mutations in patients with keratoconus in southwest Iran using PCR-single-strand conformation polymorphism/heteroduplex analysis and sequencing method. *Acta Cytol*. 2013;57(6):646-51. doi: 10.1159/000353297.
100. Hajilooi M, Sardarian K, Dadmanesh M, Matini M, Lotfi P, Bazmani A, **Tabatabaiefar MA**, Arababadi MK, Momeni M. Is the IL-10 -819 polymorphism associated with visceral leishmaniasis? *Inflammation*. 2013 Dec;36(6):1513-8. doi: 10.1007/s10753-013-9693-0.
101. Alami FM, Samaei NM, Ahmadi M, Tabarraei A, Khosravi A, **Tabatabaiefar MA**, Javid N. Association of Transcription Factor 7-Like 2 (*TCF7L2*) Gene Haplotypes with the Risk of Type 2 Diabetes Mellitus in Iran. *Advances Biol Res*, 2013;7(5): 145-150.
102. Sobhani M, **Tabatabaiefar MA**, Rajab A, Kajbafzadeh AM, Noori-Dalooi MR.

- Molecular characterization of WFS1 in an Iranian family with Wolfram syndrome reveals a novel frameshift mutation associated with early symptoms. *Gene*. 2013 Oct 10;528(2):309-13. doi: 10.1016/j.gene.2013.06.040.
103. Davoudi-Dehaghani E, Zeinali S, Mahdieh N, Shirkavand A, Bagherian H, **Tabatabaiefar MA**. A transversion mutation in non-coding exon 3 of the TMC1 gene in two ethnically related Iranian deaf families from different geographical regions; evidence for founder effect. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol*. 2013 May;77(5):821-826. doi: 10.1016/j.ijporl.2013.02.021.
 104. Schrauwen I, Helfmann S, Inagaki A, Predoehl F, **Tabatabaiefar MA**, Picher MM, Sommen M, Seco CZ, Oostrik J, Kremer H, Dheedene A, Claes C, Fransen E, Chaleshtori MH, Coucke P, Lee A, Moser T, Van Camp G: A mutation in *cabp2*, expressed in cochlear hair cells, causes autosomal-recessive hearing impairment. *Am J Hum Genet*. 2012 Oct 5;91(4):636-45.
 105. Alami FM, Ahmadi M, Bazrafshan H, Tabarraei A, Khosravi A, **Tabatabaiefar MA**, Samaei NM. Association of the TCF7L2 rs12255372 (G/T) variant with type 2 diabetes mellitus in an Iranian population. *Genet Mol Biol*. 2012 Apr;35(2):413-7.
 106. De Keulenaer S, Hellemans J, Lefever S, Renard JP, De Schrijver J, Van de Voorde H, **Tabatabaiefar MA**, Van Nieuwerburgh F, Flamez D, Pattyn F, Scharlaken B, Deforce D, Bekaert S, Van Crielinge W, Vandesompele J, Van Camp G, Coucke P. Molecular diagnostics for congenital hearing loss including 15 deafness genes using a next generation sequencing platform. *BMC Med Genomics*. 2012 May 18;5:17. doi: 10.1186/1755-8794-5-17.
 107. Yazdanpanahi N, Chaleshtori MH, **Tabatabaiefar MA**, Noormohammadi Z, Farrokhi E, Najmabadi H, Shahbazi S, Hosseinipour A. Two novel SLC26A4 mutations in Iranian families with autosomal recessive hearing loss. *Int J Pediatr Otorhinolaryngol*. 2012 Jun;76(6):845-50.
 108. Zakariaei Z, Taslimi S, **Tabatabaiefar MA**, Arghand Dargahi M. Bilateral dislocation of temporomandibular joint induced by haloperidol following suicide attempt: a case report. *Acta Med Iran*. 2012;50(3):213-5.
 109. Alizadeh F, **Tabatabaiefar MA**, Ghadiri M, Yekaninejad MS, Jalilian N, Noori-Daloi MR. Association of P1635 and P1655 polymorphisms in dysbindin (DTNBP1) gene with schizophrenia. *Acta Neuropsychiatrica* 2012Jun; 24(3): 155-159; doi: DOI: 10.1111/j.1601-5215.2011.00598.x
 110. Meshkani R, Saberi H, MohammadTaghvaei N, **Tabatabaiefar MA**. Estrogen receptor alpha gene polymorphisms are associated with type 2 diabetes and fasting glucose in male subjects. *Mol Cell Biochem*. 2012 Jan;359(1-2):225-33.

111. Montazer Zohour M, **Tabatabaiefar MA**, Dehkordi FA, Farrokhi E, Akbari MT, Chaleshtori MH. Large-scale screening of mitochondrial DNA mutations among Iranian patients with prelingual nonsyndromic hearing impairment. *Genet Test Mol Biomarkers*. 2012 Apr;16(4):271-8.
112. Kalhor H, Shariati L, Validi M, **Tabatabaiefar MA**, Nafisi MR. Comparison of Agar screen and duplex-PCR methods in determination of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* (MRSA) strains isolated from nasal carriage. *African J Microbiol Res*, 2012; 6 (16):3722-3726 doi:DOI: 10.5897/AJMR11.1623.
113. **Tabatabaiefar MA**, Alasti F, Montazer Zohour M, Shariati L, Farrokhi E, Farhud DD, Camp GV, Noori-Dalooi MR, Chaleshtori MH. Genetic Linkage Analysis of 15 DFNB Loci in a Group of Iranian Families with Autosomal Recessive Hearing Loss. *Iranian J Pub Health*, 2011; 40 (2):34-48.
114. **Tabatabaiefar MA**, Alasti F, Shariati L, Farrokhi E, Fransen E, Nooridalooi MR, Chaleshtori MH, Van Camp G. DFNB93, a novel locus for autosomal recessive moderate-to-severe hearing impairment. *Clin Genet*. 2011 Jun;79(6):594-8. doi: 10.1111/j.1399-0004.2010.01593.x.
115. **Tabatabaiefar MA**, Alasti F, Peeters N, Wuyts W, Nooridalooi MR, Chaleshtori MH, Van Camp G. Novel human pathological mutations. Gene symbol: SLC26A4. Disease: Pendred syndrome. *Hum Genet*. 2010 Apr;127(4):468-9.
116. **Tabatabaiefar MA**, Montazer Zohour M, Shariati L, Saffari Chaleshtori J, Ashrafi K, Gholami A, Farrokhi E, Hashemzadeh Chaleshtori M, Noori-Dalooi MR. Mutation Analysis of GJB2 and GJB6 Genes and the Genetic Linkage Analysis of Five Common DFNB Loci in the Iranian Families with Autosomal Recessive Non-Syndromic Hearing Loss. *J Sci I R Iran* 2010; 21 (2):105-112.
117. Shariati L, Validi M, **Tabatabaiefar MA**, Karimi A, Nafisi MR. Comparison of real-time PCR with disk diffusion, agar screen and E-test methods for detection of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*. *Current Microbiol*, 2010; 61 (6):520-524.
118. Zamani M, **Tabatabaiefar MA**, Mosayyebi S, Mashaghi A, Mansouri P. Possible association of the CD4 gene polymorphism with vitiligo in an Iranian population. *Clin Exp Dermatol*, 2010; 35 (5):521-524.
119. Sarmadi A, Nasrniya S, Soleimani Farsani M, Narrei S, Nouri Z, Sepehrnejad M, **Tabatabaiefar MA**. A novel pathogenic variant in the LRTOMT gene causes autosomal recessive non-syndromic hearing loss in an Iranian family. *BMC Med Genet*, 2020; 21(1), 127.
120. Pourahmadiyan A, Alipour P, Golchin N, **Tabatabaiefar MA**. Next generation sequencing reveals a novel pathogenic variant in the ATM gene. *The International journal of neuroscience*, 2020;1-8.

121. Akbarian F, **Tabatabaiefar MA**, Shaygannejad V, Shahpouri MM, Badihian N, Sajjadi R, et al. Upregulation of MTOR, RPS6KB1, and EIF4EBP1 in the whole blood samples of Iranian patients with multiple sclerosis compared to healthy controls. *Metabolic brain disease*. 2020.
122. Mohammadi A, Ahmadi Shadmehri A, Taghavi M, Yaghoobi G, Pourreza MR, **Tabatabaiefar MA**. A pathogenic variant in the transforming growth factor beta I (TGFB1) in four Iranian extended families segregating granular corneal dystrophy type II: A literature review. *Iranian journal of basic medical sciences*. 2020;23(8),1020-7.
123. Kheirollahi M, Saneipour M, **Tabatabaiefar MA**, Zeinalian M, Minakari M, Moridnia A. New Variants in the CDH1 Gene in Iranian Families with Hereditary Diffuse Gastric Cancer. *Middle East Journal of Cancer*. 2020;11(4),493-501.
124. Sarmadi A, Nasrniya S, Narrei S, Nouri Z, Abtahi H, **Tabatabaiefar MA**. Whole exome sequencing identifies novel compound heterozygous pathogenic variants in the MYO15A gene leading to autosomal recessive non-syndromic hearing loss. *Molecular Biology Reports*. 2020;47(7),5355-64.
125. Koohiyan M, Hashemzadeh-Chaleshtori M, Salehi M, Abtahi H, Noori-Dalooi MR, **Tabatabaiefar MA**. A Novel Cadherin 23 Variant for Hereditary Hearing Loss Reveals Additional Support for a DFNB12 Nonsyndromic Phenotype of CDH23. *Audiology & neuro-otology*. 2020;25(5), 258-62.
126. Sarmadi A, Mohammadi A, Tabatabaei F, Nouri Z, Chaleshtori MH, **Tabatabaiefar MA**. Molecular Genetic Study in a Cohort of Iranian Families Suspected to Maturity-Onset Diabetes of the Young, Reveals a Recurrent Mutation and a High-Risk Variant in the CEL Gene. *Advanced Biomedical Research*. 2020;9:25.
127. Sarmadi A, **Tabatabaiefar MA**, Tabatabaei F, Hashemzadeh chaleshtori M. Genetic linkage analysis of GCK and HNF1A genes in a group of families with MODY in Isfahan province. *Razi Journal of Medical Sciences*. 2020;27(1),112-21.

- ۱- پریسا طهماسبی، سیدرضا کاظمی نژاد، محمدامین طباطبایی فر، جواد محمدی اصل، نادر صاکی. بررسی پیوستگی ژنتیکی لوکوس DFNB2 با ناشنوایی اتوزومی مغلوب در خانواده‌های فاقد جهش‌های GJB2 در استان خوزستان. مجله دانشگاه علوم پزشکی اراک. ۱۳۹۶؛ دوره ۱۹، شماره ۶، ۱۳۹۵، صفحات ۶۸-۷۷.
- ۲- مهتاب خسروفر، محمد رضا پوررضا، سمیرا اصغرزاده، پریسا طهماسبی، الهه علی عسگری، رضا قاسمی خواه، نادر صاکی، جواد محمدی اصل، مرتضی هاشم زاده چالشتی، محمد امین طباطبایی فر. مطالعه و تجزیه و تحلیل پیوستگی ژنتیکی لوکوس DFNB 21 در بیماری ناشنوایی مغلوب اتوزومی در خانواده‌های بزرگ استان خوزستان. مجله دانشگاه علوم پزشکی اراک. ۱۳۹۶؛ دوره ۲۰، شماره ۳، ۱۳۹۶، صفحات ۳۱-۳۸.
- ۳- پریا علی پور، محمد امین طباطبایی فر، سمیه رئیسی، نجمه فتاحی، اعظم پوراحمدیان، مرتضی هاشم زاده چالشتی. بررسی پیوستگی ژنتیک لوکوس DFNB63 در خانواده‌های دچار ناشنوایی غیرسندرمی اتوزوم مغلوب در استان‌های همدان و کهگیلویه و بویراحمد. مجله دانشکده پزشکی اصفهان. دوره ۳۳، شماره ۳۴۶: هفته دوم مهر ماه ۱۳۹۴، صفحات: ۱۳۱۷-۱۳۰۸
- ۴- اعظم پوراحمدیان، محمد امین طباطبایی فر، سمیه رئیسی، پریا علی پور، نجمه فتاحی، مرتضی هاشم زاده، تجزیه و تحلیل پیوستگی ژنتیکی لوکوس DFNB7/11 در بیماران ناشنوای غیر سندرومی مغلوب اتوزومی استان همدان. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۸، شماره ۳، ۱۳۹۴، صفحات: ۸-۱۸.
- ۵- اعظم پوراحمدیان، محمد امین طباطبایی فر، سمیه رئیسی، پریا علی پور، نجمه فتاحی، مرتضی هاشم زاده چالشتی، تجزیه و تحلیل پیوستگی ژنتیکی لوکوس های DFNB40 و DFNB48 در خانواده هایی با ناشنوای غیر سندرومی مغلوب اتوزومی از استان های غربی کشور. مجله دانشکده پزشکی اصفهان. دوره ۳۴، شماره ۳۷۴، ۱۳۹۵، صفحات: ۴۲۲-۴۱۲.
- ۶- نجمه فتاحی محمد امین طباطبایی فر، سمیه رئیسی، پریا علی پور، اعظم پوراحمدیان، مرتضی هاشم زاده چالشتی، بررسی پیوستگی ژنتیکی لوکوس DFNB59 و ناشنوای غیر سندرومی مغلوب اتوزومی در خانواده هایی از استان های غربی کشور. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۷، شماره ۴، ۱۳۹۴، صفحات: ۴۲۲-۴۱۲.
- ۷- لادن صادقیان، محمد امین طباطبایی فر، نرگس زارع پور، مرتضی هاشم زاده چالشتی. بررسی پیوستگی ژنتیکی لوکوس DFNB24 در جمعیتی از خانواده های استان خوزستان مبتلا به ناشنوایی

غیر سندرومی مغلوب اتوزومی. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۹ شماره ۲، ۱۳۹۶،
صفحات ۱۳۲-۱۲۴

۸- افسانه تقی پور ششده، محمد امین طباطبایی فر، فاطمه نعمتی زرگران، فهیمه مرادی، نرگس زارع
پور، مرتضی هاشم زاده چالستری. بررسی پیوستگی ژنتیکی لوکوس های DFNB48 و DFNB98
در خانواده هایی با ناشنوایی غیرسندرومی مغلوب اتوزومی از استان خوزستان. مجله دانشگاه علوم
پزشکی شهرکرد. دوره ۱۸ شماره ۶، ۱۳۹۶، صفحات ۱۷-۶

۹- فاطمه نعمتی زرگران، محمد امین طباطبایی فر، افسانه تقی پور ششده، فهیمه مرادی، نرگس زارع
پور، مرتضی هاشم زاده چالستری. بررسی پیوستگی ژنتیکی لوکوس های DFNB35 و DFNB42
در خانواده هایی با ناشنوایی غیرسندرومی مغلوب اتوزومی از استان خوزستان. مجله دانشگاه علوم
پزشکی شهرکرد. دوره ۱۹ شماره ۱، ۱۳۹۶، صفحات ۹-۱

۱۰- احمدرضا صالحی چالستری، فاطمه فتاحی، محمدامین طباطبائی فر، اعظم حسینی پور، حمیدرضا
صالحی چالستری، فاطمه رضائیان، مرتضی هاشم زاده چالستری. جهش $c.637+1G>T$ در ژن
CABP2 در خانواده های ایرانی مبتلا به ناشنوایی غیرسندرومی مغلوب اتوزومی. مجله دانشگاه
علوم پزشکی بابل دوره شانزدهم، شماره ۱، ۱۳۹۲، صفحه ۷۶-۷۰

۱۱- محمد امین طباطبایی فر، لاله شریعتی، مصطفی منتظر ظهور، کوروش اشرفی، جواد صفاری، رضا
قاسمی خواه، عفت فرخی، محمدرضا نوری دلویی، مرتضی هاشم زاده چالستری. بررسی جهش
های کانکسین ۲۶ (*GJB2*) و کانکسین ۳۰ (*GJB6*) و پیوستگی ژنتیکی سه لوکوس شایع DFNB
در خانواده های ایرانی مبتلا به ناشنوایی غیر سندرومی مغلوب اتوزومی. مجله دانشگاه علوم پزشکی
شهرکرد. دوره ۱۲، شماره ۲. تابستان ۱۳۸۹. ۶۵-۷۵.

۱۲- دینز کوشاور، عفت فرخی، مرضیه ابوالحسنی، محمد امین طباطبائی فر، محمدرضا نوری دلویی،
مرتضی هاشم زاده چالستری. بررسی وراثت دو ژنی ژن *GJB4* در ناشنوایان غیر سندرومی مغلوب
اتوزومی دارای یک آلل جهش یافته *GJB2*. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۴، شماره
۶. بهمن و اسفند ۹۱. ۸۹-۱۰۰.

۱۳- لاله شریعتی، مانا شجاع پور، مجید ولیدی، عفت فرخی، محمد امین طباطبائی فر، علی کریمی، محمد رضا نفیسی. بررسی شیوع مقاومت به متی سیلین و وانکومایسین در استافیلوکوک های کواگولاز منفی جدا شده از نمونه های کلینیکی بیمارستان های آموزشی شهرکرد. مجله طب جنوب، دانشگاه علوم پزشکی بوشهر دوره ۱۴، شماره ۳، سال ۹۱ صفحه ۱۷۲-۱۶۵

۱۴- لاله شریعتی، مجید ولیدی، مانا شجاع پور، محمد امین طباطبائی فر، علی کریمی و محمد رضا نفیسی. بررسی کار آمدی روش های دیسک دیفیوژن، آگاراسکرین و E-test در مقایسه با Real time PCR برای تشخیص استافیلوکوک های کواگولاز منفی مقاوم به متی سیلین. مجله طب جنوب، دانشگاه علوم پزشکی بوشهر، دوره ۱۵، شماره ۲، سال ۹۱. صفحه ۱۰۰-۹۳.

۱۵- جواد صفاری چالشتری، محمد تقی مرادی، عفت فرخی، محمد امین طباطبائی فر، مریم طاهرزاده، فاطمه شایسته، غلامرضا مبینی، مهدی بنی طالبی، گشتاسب مرادی، مهرداد شهرانی، ندا پروین، نجمه شاهین فر، قربانعلی رحیمیان، حبیب الله ناظم، مرتضی هاشم زاده چالشتری. شناسایی جهش های اگزون های ۸-۵ ژن مهارکننده سرطان (P53) به روش PCR-SSCP در بیماران مبتلا به سرطان معده در استان چهارمحال و بختیاری ۸۶-۱۳۸۵. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۱، شماره ۳. پائیز ۸۸. ۶۹-۶۱.

۱۶- عفت فرخی، سید ابوالفتح شیرمردی، ابوالفضل خوشدل، سروش امانی، مهشید سلیمانی، محبوبه کثیری، جهانبخش رهبریان، ندا پروین، نجمه شاهین فر، زهرا نوع پرست، علی ضامن صالحی فرد، مسعود افضل، محمد امین طباطبائی فر، منوچهر شیرانی، مرتضی هاشم زاده چالشتری. بررسی ژنتیکی ۴۵ شجره بزرگ ناشنوائی و تعیین فراوانی جهش های ژن کانکسین ۲۶ (GJB2) در استان چهارمحال بختیاری. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۰، شماره ۴. زمستان ۸۷. ۲۱-۱۶.

۱۷- مهدی زمانی، محمد امین طباطبائی فر، آرزو صوابی اصفهانی، فریدون مصطفوی، آریا ستوده، باقر لاریجانی. پیوستگی بین چند شکلی ژن CD4 با دیابت نوع یک در جمعیت ایرانی. مجله دیابت و لیپید ایران. دوره ۴، شماره ۴. تابستان ۱۳۸۴. ۹-۱.

۱۸- جواد صفاری چالشتری، محمد تقی مرادی، عفت فرخی، محمد امین طباطبائی فر، مریم طاهرزاده، فاطمه شایسته، غلامرضا مبینی، مهدی بنی طالبی، سولماز خادم، گشتاسب مرادی، مهرداد شهرانی، ندا پروین، نجمه شاهین فر، قربانعلی رحیمیان، حبیب الله ناظم، مرتضی هاشم زاده چالشتری. بررسی دو جهش شایع مهار کننده سرطان (P53) در سرطان معده با استفاده از روش PCR-RFLP در استان چهار محال بختیاری، ۱۳۸۵. مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد. دوره ۱۰، شماره ۴. زمستان ۸۷. ۴۳-۵۰.

برگزاری کارگاه ها

- مسؤول برگزاری دو کارگاه نسل نوین توالی یابی مقدماتی و پیشرفته زمستان ۱۳۹۸
- مسؤول برگزاری کارگاه نسل نوین توالی یابی در تشخیص و مدیریت سرطان. زمستان ۱۳۹۴
- مسؤول برگزاری کارگاه آموزشی ژنتیک برای دستیاران روانپزشکی - دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور اهواز- زمستان ۱۳۹۱ و ۱۳۹۲
- برگزاری کارگاه آموزشی دو روزه با عنوان: " نقشه برداری پیوستگی ژنتیکی: با رویکرد بیوانفورماتیک ، مرکز تحقیقات سلولی و مولکولی انشگاه علوم پزشکی شهرکرد- اردیبهشت ۱۳۹۰
- برگزاری کارگاه آموزشی با عنوان: " منابع اینترنتی و نرم افزاری در مطالعات پیوستگی ژنتیکی ، مرکز تحقیقات سلولی و مولکولی انشگاه علوم پزشکی شهرکرد- خرداد ۱۳۸۹
- برگزاری کارگاه آموزشی با عنوان: " محاسبات در تجزیه و تحلیل پیوستگی ژنتیکی ، مرکز تحقیقات سلولی و مولکولی انشگاه علوم پزشکی شهرکرد- خرداد ۱۳۸۸
- تدریس مبحث " نقشه برداری ژنومی " در کارگاه بیوانفورماتیک برگزار شده برای اعضای هیأت علمی دانشگاهها توسط ظرکت مارس با همکاری دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، ۱۳۸۴- تهران

شرکت در کارگاه ها

- کارگاه سیتوژنتیک مولکولی پیشرفته، امارات متحده عربی، فوریه ۲۰۱۹
- کارگاه سیتوژنتیک پیشرفته، دانشگاه علوم پزشکی تهران، سال ۱۳۹۲
- کارگاه روش تدریس برگزار شده توسط مرکز EDO دانشگاه علوم پزشکی تهران ، آذر ۸۸
- کارگاه مقاله نویسی پیشرفته برگزار شده توسط معاونت پژوهشی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی تهران ، ۱۳۸۶
- کارگاه ژنتیک پزشکی برگزار شده توسط بنیاد ژنتیک اروپا، بلونیا، ایتالیا، سپتامبر ۲۰۰۷

- کارگاه Real-time PCR، برگزار شده توسط دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران، ۱۳۸۵
- اولین کارگاه مشترک Laser Microdissection برگزار شده توسط شرکت سویسی MMI و انستیتو کانسر ایران، ۲۰۰۵، تهران
- دوره هیبرید در ژنتیک سرطان، برگزار شده به صورت آموزش از راه دور توسط بنیاد ژنتیک اروپا (ESGM) و دانشگاه علوم پزشکی تهران، ۱۳۸۳، تهران
- دوره هیبرید در ژنتیک پزشکی، برگزار شده به صورت آموزش از راه دور توسط بنیاد ژنتیک اروپا (ESGM) و دانشگاه علوم پزشکی تهران، ۱۳۸۲، تهران
- کارگاه تکنیک FISH برگزار شده توسط بخش ژنتیک سرطان و سیتوژنتیک گروه ژنتیک دانشگاه علوم پزشکی تهران، ۱۳۸۲، تهران

عضویت

- ۱- عضو هیات علمی ژنتیک پزشکی، گروه ژنتیک پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور اهواز، از سال ۸۹ تا ۹۳
- ۲- عضو هیات علمی و دانشیار ژنتیک پزشکی، گروه ژنتیک و بیولوژی مولکولی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان از سال ۹۳ تا کنون
- ۳- عضو بورد ژنتیک پزشکی، وزارت بهداشت، درمان و آموزش پزشکی از سال ۹۸ تا کنون
- ۴- عضو هیأت مدیره انجمن ژنتیک پزشکی ایران از سال ۹۳ تا کنون
- ۵- مدیر عامل هسته فن آوران هدف ژن
- ۶- مشاور اداره ژنتیک وزارت بهداشت از سال ۸۹ تا کنون
- ۷- عضو کمیته ژنتیک اجتماعی کشوری وزارت بهداشت از سال ۹۲ تا کنون
- ۸- ممیز مولکولی مدیریت امور آزمایشگاههای دانشگاه علوم پزشکی اصفهان از ۹۶ تا کنون
- ۹- رییس پانل های ژنتیک کنگره آزمایشگاه و بالین سالهای ۹۸ و ۹۸
- ۱۰- عضو کمیته علمی و هیأت رئیسه سومین کنگره ملی ژنتیک پزشکی ایران- اردیبهشت ۹۲
- ۱۱- عضو جامعه ژنتیک انسانی بلژیک (BeSHG)

۱۲- عضو جامعه ژنتیک انسانی اروپا (ESHG)

۱۳- عضو کمیته برگزاری اولین کنگره بین المللی ژنتیک سرطان در تهران، دسامبر ۲۰۰۳

کتاب ها و فصول

- Tabatabaiefar MA, Moridnia A (2017). "Gastrointestinal Cancers." *Cancer Genetics and Psychotherapy*. Ed. P. Mehdipour. Springer International Publishing, 2017; 589-625.
- Tabatabaiefar MA, Moridnia A, Shariati L (2017). "Cancers of the endocrine system". *Cancer Genetics and Psychotherapy*, Ed. P. Mehdipour, Springer International Publishing, 2017; 499-530. DOI: 10.1007/978-3-319-64550-6_10
- ویراستاری کتاب "همساز سازی ژنی و کاربرد های آن در پزشکی" تألیف دکتر علی حسین صابری- سال ۹۲
- ترجمه کتاب Human Genetics تألیف Gardner A, Howell RT, Daies T (هنوز چاپ نشده).
- تألیف یک فصل از کتاب بیوانفورماتیک در علم ژنومیک. چاپ موسسه مارس

شرکت در سمینارها و کنگره ها

- Mendel's 200th birthday, 2009 Belgium
- Annual conference of European Society of Human Genetics (ESHG) 2011
- The Second International congress of Cancer Genetics, Tehran
- The First International congress of Cancer Genetics, Tehran
- 3rd Iranian congress of genetic disorders and disabilities. Tehran
- 4rd Iranian congress of genetic disorders and disabilities. Tehran, 2004.
- 5rd Iranian congress of genetic disorders and disabilities. Tehran, 2004

گزیده ای از مقالات ارائه شده در کنگره های داخلی و بین المللی

- **O.27 Mohammad Amin Tabatabaiefar**, Ladan Sadeghian, Parisa Tahmasebi, Samira Asgharzadeh, Narges Zarepour, Fatemeh Nemati, Afsaneh Taghipour, Parya Alipour, Azam Pourahmadiyan, Mohammad Reza Pourreza, Morteza Hashemzadeh Chaleshtori: *Application of next generation sequencing in genetic diagnosis of deafness in Iran*. 4th Congress on Novel & Innovative Laboratory Technologies; 10/2016

- O.08 Ladan Sadeghian, Parisa Tahmasebi, **Mohammad Amin Tabatabaiefar**, Morteza Hashemzadeh Chaleshtori: *Application of genetic linkage screening and NGS in deafness diagnosis in Iran*. 4th Congress on Novel & Innovative Laboratory Technologies; 10/2016
- O.59/12:15 Schrauwen I, Helfmann S, Inagaki A, Wolk F, **Tabatabaiefar MA**, Picher MM, Sommen M, Zazo Seco C, Kremer H, Dheedene A, Claes C, Franssen E, Chaleshtori MA, Coucke P, Lee A, Moser T, Van Camp G. **A mutation in Ca²⁺ binding protein 2, expressed in cochlear inner hair cells, causes autosomal recessive hearing impairment**. American Society of Human Genetics (ASHG) 62nd Annual Meeting November 6–10, 2012 San Francisco, California, USA
- **P12.106** Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Ahmadi A, Noori-Dalooi MR. **Different contribution of DFNB loci in Hearing Impaired pedigrees in Iranian population**. *Eur J Human Genet*, 2012;20(sup 1): 310 Nürnberg, Germany
- P08.06 **Tabatabaiefar MA**, Alasti F, Shariati L, Farrokhi E, Ceuppens R, Nooridalooi MR, Hashemzadeh Chaleshtori M, Van Camp G. **DFNB93, a novel locus for autosomal recessive moderate to severe hearing impairment**. *Eur J Human Genet*, 2011; 19(2): 248.
- P12.101 Montazer Zohour M, **Tabatabaiefar MA**, Raisi M, Azadegan F, Raisi S, Farrokhi E, Akbari MT, Hashemzadeh Chaleshtori M. **An overview of Mitochondrial Genetics in Hearing Loss: Research Progress in Iran**. *Eur J Human Genet*, 2011; 19(2): 411-412
- J12.31 Jalilian N, **Tabatabaiefar MA**, Alizadeh F1, Ahmadi A, Noori-Dalooi MR. **Mutation detection of GJB2 and GJB6 and genetic linkage analysis of 3 common DFNB loci (DFNB4, DFNB3, DFNB59) in 9 large pedigrees with hearing loss in the Southern Khorasan in Iran**. *Eur J Human Genet*, 2011; 19(2): 455-456.
- P12.101. Montazer Zohour M, **Tabatabaiefar MA**, Raisi M, Azadegan F, Raisi S, Farrokhi E, Akbari MT, Hashemzadeh Chaleshtori M. **An overview of Mitochondrial Genetics in Hearing Loss :Research Progress in Iran**. *Eur J Human Genet*, 2011; 19(2): 411-412.
- O100469. **Tabatabaiefar MA**, Alasti F, Montazer zohour M, Shariati L Farrokhi E, Van Camp G, Nooridalooi MR, Hashemzadeh Chaleshtori M. **SNP array-based whole genome scan of Iranian families with autosomal recessive non-syndromic hearing impairment gives an overview of the most frequent genes**

- and identifies a novel locus**, 11th Iranian Genetics Congress, May 22-24, 2010, Tehran, Iran
- **PR20.** Shariati L, Nafisi MR, Karimi A, Validi M, Shojapour M, Kianpoor F, **Tabatabaiefar MA. Comparison of Real-Time PCR with Disk Diffusion, Agar Screen and E-test Methods for Detection of Methicillin-Resistant Staphylococcus aureus.** 4th Iranian Congress of Clinical Microbiology, 9-11 November 2010, Isfahan, Iran
 - **P12.010. Tabatabaiefar MA, Alasti F, Shariati L, Farrokhi E, Nooridalooi MR, Hashemzadeh Chaleshtori M and Van Camp G. Genetic linkage analysis in a cohort of Iranian families with autosomal recessive non-syndromic hearing impairment.** ESHG conference, Sweden, 2010.
 - **P61. Tabatabaiefar MA, Alasti F, Ashrafi K, Farrokhi E, Banitalebi M, Mobini G, Peters N, Wuyts W, Nooridalooi MR, Hashemzadeh Chaleshtori M and Van Camp G. Genetic analysis of Iranian families with autosomal recessive non-syndromic hearing loss.** Belgian Society of Human Genetics (BeSHG), Fubreray, 13, 2009, Brussels, Belgium.
 - **P12.075. Tabatabaiefar MA, Alasti F, Peters N, Wuyts W, Nooridalooi MR, Hashemzadeh Chaleshtori M and Van Camp G. Genetic analysis of 31 Iranian families segregating autosomal recessive hearing impairment.** Eur J Human Genet, 2009; 17(Sup 2):325.
 - **P179.** Shariati L, Nafisi MR, Validi M, Karimi A, Shojapour M, **Tabatabaiefar MA. Detection of Pantan-Valentine Leukocidin Toxin Gene in Clinical Isolates of Methicillin-Resistant Staphylococcus aureus by Real-time PCR in Shahrekord University Hospitals. Iran.** 11 th Iranian Congress of Microbiolpgy, 10-13 May 2010, Guilan, Iran.
 - **P84-75.** Mehdipour P, Piroozpanah S, **Tabatabaiefar MA, Hosseini-asl S The familial risk of gastric cancer on the survival of patients with primary breast cancer.** UICC World Cancer congress, USA, 8-12 July, 2006.
 - **P9.7.** Zamani M, **Tabatabaiefar MA, Mashaghi AR, Mosayyebi S. Association study of CD4 gene polymorphism with vitiligo disorder in the Iranian population.** 3rd Iranian congress of genetic disorders and disabilities. Tehran, 2004.
 - **O3.4.** Montazer Zohori M, Hashemzadeh M, Pourjafari HR, **Tabatabaiefar MA, et al. Nine novel mutations and one novel polymorphism in GJB2 related autosomal recessive non-syndromic hearing loss in the Iranian population.**

Presented as vice-speaker in the Iranian congress of genetic disorders and disabilities. Tehran, 2004

- O32. **Tabatabaeefar MA**, Akrami SM, Tavangar SM, Mehdipour P, Larijani B. **Investigating Ha-ras proto-oncogene mutations in thyroid adenoma and carcinoma in Iranian population**, Oral presentation in the First International congress of Cancer Genetics, Tehran, 13-16 Dec 2003.
- P0955. Zamani M, **Tabatabaiefar MA**, Mashaghi AR, Mosayyebi S. **Possible association of CD4 gene polymorphism with vitiligo disorder in the Iranian population**. Suppl Eur J Hum Genet, 2003.

P=Poster presentation O= Oral Presentation